

Table SIV. Top 5 biological processes affected by NB-UVB phototherapy in psoriatic epidermis

Biological process	p-value	Genes						
Up-regulated Pigmentation	1.70E-08	<i>BBS2</i>	<i>DCT</i>	<i>EDNRB</i>	<i>KIT</i>	<i>MITF</i>	<i>MLPH</i>	<i>OCA2</i>
		<i>SILV</i>	<i>SLC45A2</i>	<i>SOX10</i>	<i>TYR</i>	<i>TYRP1</i>		
Cell adhesion	5.00E-05	<i>BCAN</i>	<i>CLDN1</i>	<i>CLDN23</i>	<i>CLDN8</i>	<i>COL16A1</i>	<i>COL17A1</i>	<i>COL5A1</i>
		<i>COL7A1</i>	<i>CPXM2</i>	<i>DLC1</i>	<i>DST</i>	<i>ECM2</i>	<i>EPDR1</i>	<i>FBLN7</i>
		<i>FEZ1</i>	<i>GPNMB</i>	<i>HES5</i>	<i>KITLG</i>	<i>LAMA5</i>	<i>LAMB4</i>	<i>LEF1</i>
		<i>PGM5</i>	<i>POSTN</i>	<i>PPFIBP1</i>	<i>PTPRM</i>	<i>RGMB</i>	<i>SORBS1</i>	<i>SRPX</i>
		<i>SSPN</i>	<i>SVEP1</i>	<i>TGFBI</i>				
Regulation of cell motion	1.40E-02	<i>BBS2</i>	<i>DLC1</i>	<i>IGFBP5</i>	<i>KIT</i>	<i>LAMA5</i>	<i>PLD1</i>	<i>PLXNA3</i>
		<i>PTPRM</i>	<i>SERPINE2</i>	<i>TGFBR3</i>				
Cell morphogenesis	2.40E-02	<i>BBS2</i>	<i>DMD</i>	<i>DST</i>	<i>FEZ1</i>	<i>LAMA5</i>	<i>LEF1</i>	<i>LPPR4</i>
Oxidation reduction	2.70E-02	<i>NOTCH1</i>	<i>P2RX7</i>	<i>PLXNA3</i>	<i>PTPRM</i>	<i>SLITRK2</i>	<i>TGFBR3</i>	<i>WNT3A</i>
		<i>ACADL</i>	<i>ADHFE1</i>	<i>CMAH</i>	<i>CYBASC3</i>	<i>CYBRD1</i>	<i>CYP2J2</i>	<i>CYP3A5</i>
		<i>CYP4F12</i>	<i>D2HGDH</i>	<i>GAPDHS</i>	<i>GMPR</i>	<i>GPX8</i>	<i>P4HTM</i>	<i>PHYH</i>
		<i>PLOD3</i>	<i>PPOX</i>	<i>PRODH</i>	<i>RRM2B</i>	<i>SNCA</i>	<i>TYR</i>	<i>TYRP1</i>
Down-regulated Ectoderm development	3.80E-08	<i>ALOX12B</i>	<i>ATP2A2</i>	<i>CNFN</i>	<i>CRABP2</i>	<i>FABP5L2</i>	<i>FABP5</i>	<i>IVL</i>
		<i>KRT16</i>	<i>KRT17P3</i>	<i>KRT6A</i>	<i>KRT6B</i>	<i>LCE3A</i>	<i>LCE3D</i>	<i>S100A7</i>
Carbohydrate catabolic process	4.50E-05	<i>SPRR1A</i>	<i>SPRR1B</i>	<i>SPRR2A</i>	<i>SPRR2B</i>	<i>SPRR2C</i>	<i>SPRR2D</i>	<i>SPRR2F</i>
		<i>TGM1</i>						
		<i>ALDOA</i>	<i>CHI3L2</i>	<i>FUT3</i>	<i>G6PD</i>	<i>GPI</i>	<i>HK2</i>	<i>LDHB</i>
Translation	9.40E-05	<i>NUDT5</i>	<i>PGAM1</i>	<i>PGAM4</i>	<i>PGD</i>	<i>TPI1</i>		
		<i>EIF2B2</i>	<i>EIF3M</i>	<i>EIF4G2</i>	<i>EIF5</i>	<i>GARS</i>	<i>HNRNP2</i>	<i>MRPL11</i>
		<i>MRPL12</i>	<i>MRPL20</i>	<i>MRPL36</i>	<i>MRPL4</i>	<i>MRPS12</i>	<i>RBM3</i>	<i>RPL10A</i>
Homeostatic process	3.20E-04	<i>RPL34</i>	<i>RPL36</i>	<i>RPL6</i>	<i>RPLP0</i>	<i>RPS17</i>	<i>RPS21</i>	<i>RPS24</i>
		<i>ABCA12</i>	<i>ALDOA</i>	<i>APP</i>	<i>ATP2A2</i>	<i>CACNB4</i>	<i>CCL5</i>	<i>CD24</i>
		<i>CD7</i>	<i>CIDEA</i>	<i>CYP5R4</i>	<i>CYP27B1</i>	<i>EIF2B2</i>	<i>FKBP1A</i>	<i>G6PD</i>
		<i>GLRX3</i>	<i>GNA15</i>	<i>GOT1</i>	<i>HCLS1</i>	<i>HIF1A</i>	<i>KLK6</i>	<i>LOC399804</i>
		<i>LYN</i>	<i>MYC</i>	<i>P2RY2</i>	<i>PDIA6</i>	<i>PRNP</i>	<i>RAC2</i>	<i>RPS17</i>
Immune response	1.50E-03	<i>RPS24</i>	<i>SCO2</i>	<i>SH3BGRL3</i>	<i>SOD2</i>	<i>STAT3</i>	<i>TXNDC5</i>	
		<i>AKIRIN2</i>	<i>BCL3</i>	<i>C1QBP</i>	<i>C1R</i>	<i>CCL5</i>	<i>CD14</i>	<i>CD24</i>
		<i>CD7</i>	<i>CD8A</i>	<i>CFB</i>	<i>CNIH</i>	<i>CTSC</i>	<i>CYP27B1</i>	<i>GBP6</i>
		<i>GPI</i>	<i>GZMA</i>	<i>HLA-DRB4</i>	<i>IFITM3</i>	<i>IL1F5</i>	<i>IL1F9</i>	<i>IL4R</i>
		<i>KYNU</i>	<i>LYN</i>	<i>OAS2</i>	<i>OAS3</i>	<i>OASL</i>	<i>PRELID1</i>	<i>LOC728666</i>
		<i>RAET1G</i>	<i>S100A7</i>	<i>XBP1</i>				